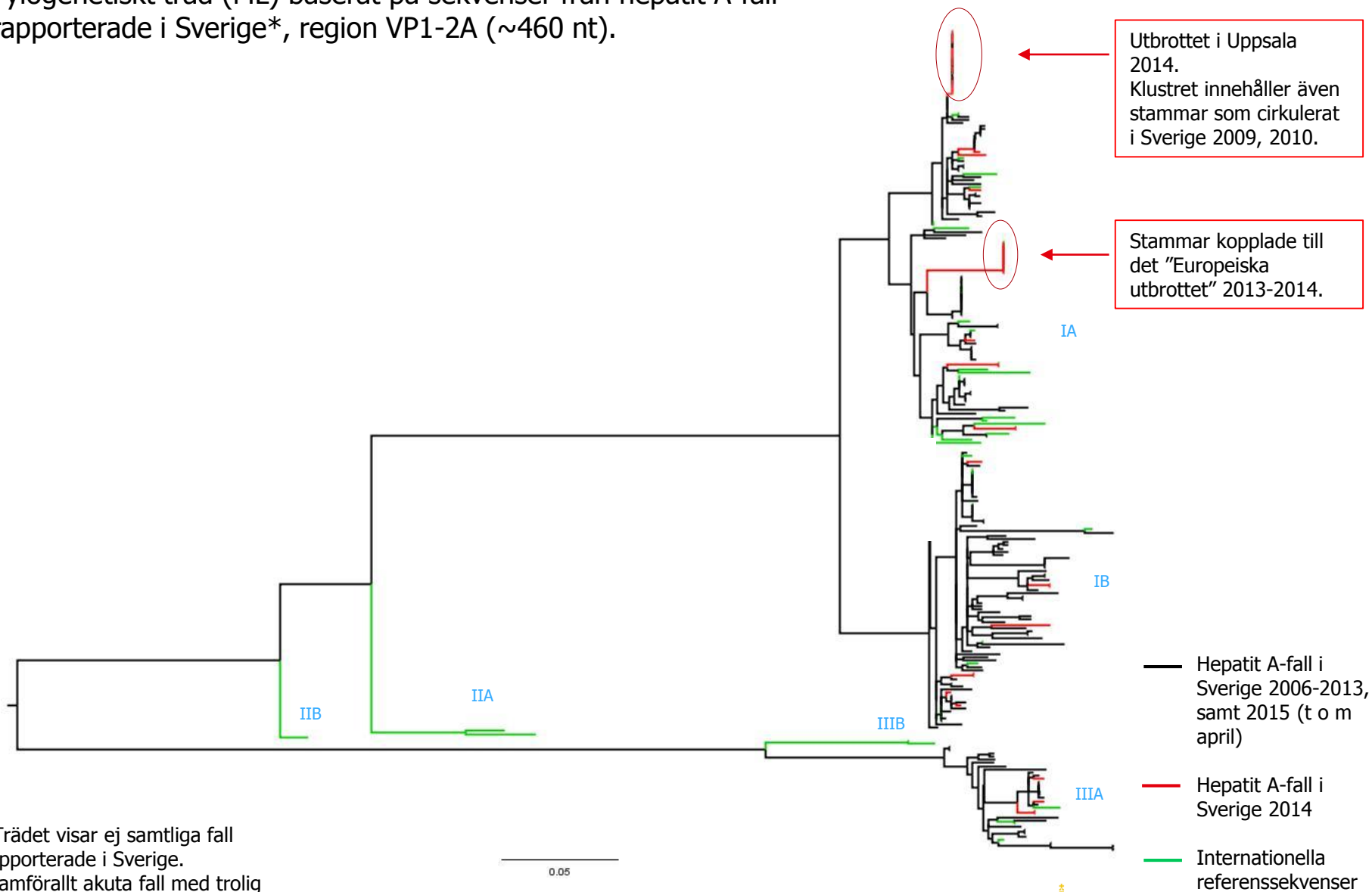


# Fylogenetiskt träd (ML) baserat på sekvenser från hepatit A-fall rapporterade i Sverige\*, region VP1-2A (~460 nt).



\*Trädet visar ej samtliga fall rapporterade i Sverige. Framförallt akuta fall med trolig inhemsk smitta har sekvenserats.